



SEQUENCE LISTING

<110> WANG, QI ET AL.

<120> RECOMBINANT PROTEINS CONTAINING REPEATING UNITS

<130> MONS:016US

<140> 09/804,733

<141> 2001-03-13

<150> 60/188,990

<151> 2000-03-13

<160> 31

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 5

<212> PRT

<213> Euthynnus pelamis

<400> 1

Leu Lys Pro Asn Met

1

5

<210> 2

<211> 4

<212> PRT

<213> Euthynnus pelamis

<400> 2

Lys Pro Asn Met

1

<210> 3

<211> 4

<212> PRT

<213> Euthynnus pelamis

<400> 3

Val Val Tyr Pro

1

<210> 4

<211> 15

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(9)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 4
ctnaarccna ayatg

15

<210> 5
<211> 60
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(54)
<223> N = A, C, G, or T/U

<400> 5
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 60

<210> 6
<211> 60
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(58)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 6
catrttnggy ttnagcatrt tnggyttnag catrttnggy ttnagcatrt tnggyttnag 60

<210> 7
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(18)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 7

aaagaattcc tnaarccnaa yatgc

25

<210> 8

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (18)..(24)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 8

aaagcggccg ccatrttngg yttnagc

27

<210> 9

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<400> 9

taatacgact cactataggg

20

<210> 10

<211> 19

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<400> 10

cgatcaataa cgagtcgcc

19

<210> 11

<211> 48

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic

Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (3)..(48)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 11

gtngtntayc cngtngtnta yccngtngtn tayccngtng tntayccn

48

<210> 12

<211> 48

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (1)..(46)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 12

nggrtanacn acnggrtana cnacnggrta nacnacnggr tanacnac

48

<210> 13

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (12)..(33)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 13

aaaggatccg tngtntaycc ngtngtntay ccn

33

<210> 14

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base
<222> (10)..(31)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 14
cccaagcttn ggrtanacna cnggrtanac nac

33

<210> 15
<211> 45
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(45)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 15
gtncncncng tncncncngt nccncncngtn ccncncngtnc cnccn

45

<210> 16
<211> 45
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (1)..(43)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 16
nggnggnacn ggnggnacng gnggnacngg nggnacnggn ggnac

45

<210> 17
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (12)..(36)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 17
aaaggatccg tncncncngt nccncncngtn ccnccn 36

<210> 18
<211> 36
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (10)..(34)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 18
aataagcttn ggnggnacng gnggnacngg nggnac 36

<210> 19
<211> 8
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence:m Synthetic
Peptide

<400> 19
Val Pro Pro Leu Lys Pro Asn Met
1 5

<210> 20
<211> 48
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(42)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 20
gtncncncnc tnaarccnaa yatggtnccn ccnctnaarc cnaayatg 48

<210> 21
<211> 48

<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (7)..(46)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 21
catrttnggy ttnagnggng gnaccatrtt nggyttagn ggnggnac

48

<210> 22
<211> 58
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(52)
<223> N = A, C, G, T/U

<400> 22
gcatgaattc gtncncnc tnaarccnaa yatggtnccn ccnctnaarc cnaayatg

58

<210> 23
<211> 84
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(82)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 23
gcatgcggcc gccatrttng gyttagncg nggnccraan ggnggnagca trttnggytt
nagncgnggn ccraangng gnac

60
84

<210> 24
<211> 4
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Peptide

<400> 24

Phe Gly Pro Arg

1

<210> 25

<211> 72

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (3)..(66)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 25

gtncncncnt tyggncncng nctnaarccn aayatgggtnc cncnttygg nccncgnctn 60
aarcgnaaya tg 72

<210> 26

<211> 72

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>

<221> modified_base

<222> (7)..(70)

<223> N = A, C, G or T/U

<400> 26

catrttnggy ttnagncgng gncraangg nggnagcatr ttnggyttna gncgnggncc 60
raanggngn ac 72

<210> 27

<211> 82

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (13)..(76)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 27
gcatgaattc gtnccnccnt tyggncncg nctnaarccn aayatggtn cncnttygg 60
nccncgnctn aarcgnaaya tg 82

<210> 28
<211> 84
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<220>
<221> modified_base
<222> (19)..(82)
<223> N = A, C, G or T/U

<400> 28
gcatgcggcc gccatrttng gyttnagncg nggnccraan ggnggnagca trttnggytt 60
nagncgnggn ccraangng gnac 84

<210> 29
<211> 12
<212> PRT
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Peptide

<400> 29
Val Pro Pro Phe Gly Pro Arg Leu Lys Pro Asn Met
1 5 10

<210> 30
<211> 615
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<221> modified_base
<222> (3)..(309)
<223> N = A, C, G OR T/U

<400> 30
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 60
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 120
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 180

```

ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 240
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 300
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 360
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 420
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 480
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 540
ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg ctnaarccna ayatgctnaa rccnaayatg 600
ctnaarccna ayatg                                     615

```

<210> 31

<211> 397

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<221> modified_base

<222> (3)..(391)

<223> N = A, C, G OR T/U

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: Synthetic
Primer

<400> 31

```

ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 60
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 120
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 180
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 240
ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac ganttyggnt trtacgantt yggnttrtac 300
ganttyggnt trtacgantt yggnttgant tyggnttrta cganttyggn ttrtacgant 360
tyggnttrta cganttyggn ttganttygg nttrtac                                     397

```